



# EL RINOVIRUS HUMANOS EN LA INFECCIÓN RESPIRATORIA AGUDA: ESTUDIO DE CARACTERIZACIÓN MOLECULAR EN UNA POBLACIÓN INFANTIL HOSPITALIZADA EN SANTA FE, ARGENTINA

Kuszniez, G<sup>1</sup>; Rudi, JM<sup>1</sup>; Vera Garate, MV<sup>1</sup>; Mirazo, S<sup>2</sup>; Arbiza, J<sup>2</sup>, Molina F<sup>3</sup>, Diaz R<sup>3</sup>, Bonet V<sup>3</sup>, Ortellao L<sup>4</sup>, Cantarutti D<sup>4</sup>, Pierini J<sup>4</sup>, Cociglio R<sup>3</sup>

<sup>1</sup>Instituto Nacional de Enfermedades Respiratorias "Dr. Emilio Coni", Santa Fe, Argentina  
<sup>2</sup>Sección Virología, Facultad de Ciencias, Universidad de la República, Montevideo, Uruguay  
<sup>3</sup>Hospital de Niños O. Alassia, <sup>4</sup>Hospital J.B iturraspe

**INTRODUCCIÓN.** Los **rinovirus humanos (HRVs)**, pertenecientes a la familia *Picornaviridae*, son patógenos causantes de infecciones del tracto respiratorio superior e inferior. Desde el punto de vista filogenético se clasifican en tres especies, HRV-A, HRV-B y HRV-C, y en más de 100 genotipos que presentan una elevada diversidad genética.

### OBJETIVO

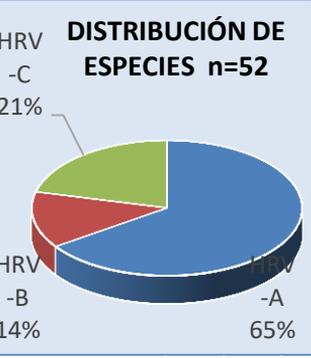
Caracterizar la diversidad de especies y genotipos de HRVs circulantes en la ciudad de Santa Fe, durante 2010-2011.

### MATERIALES Y MÉTODOS

Se estudiaron HRVs detectados mediante RT-PCR en aspirados nasofaríngeos de pacientes menores de 15 años internados en hospitales de Santa Fe con infección respiratoria aguda. La tipificación se basó en la amplificación de un fragmento de 542 pb, conteniendo las regiones VP4/VP2, y en la secuenciación en ambas direcciones. La determinación de las especies se efectuó comparando las secuencias obtenidas con otras depositadas en NCBI GenBank. Las reconstrucciones filogenéticas se realizaron por el método de Maximum Likelihood.

### RESULTADOS

Positividad: 38% HRV (172 muestras)



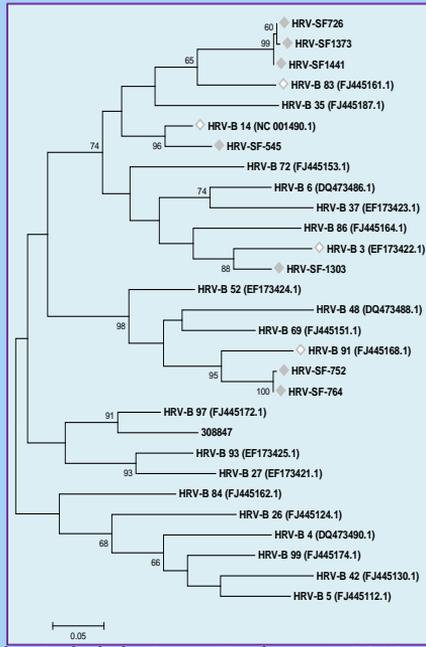
ESPECIE Y GENOTIPO	Nº
HRV-A	34
A10	3
A12	4
A15	1
A19	2
A21	1
A24	4
A28	1
A29	2
A30	1
A40	1
A41	1
A46	2
A49	1
A51	1
A65	2
A81	5
A82	1
A95	1

ESPECIE Y GENOTIPO	Nº
HRV-B	7
B3	1
B14	1
B83	1
B83	2
B91	2

ESPECIE Y GENOTIPO	Nº
HRV-C	11
C4	1
C5	1
C7	1
C8	1
C9	1
C21	1

Hallazgos Clínicos %	HRV-A n=34	HRV-B n=7	HRV-C n=11
Antecedentes clínicos	20	28	45
UTI	8,8	0	27
Oxígeno	82	100	90
Asistencia Respiratoria	5,9	0	18
Neumonía	29	28	36
Bronquiolitis	29	28	36
Bronquitis	17,6	42	
IRA alta	8,8		
Sibilancias	11,8		18,2
Crisis asma			9,0
Estadía hospitalaria (días, mediana)	5 (1-15)	5 (3-9)	7 (3-13)

Las especies A y C no mostraron un patrón estacional, co-circulando durante todo el año. La especie B sólo se detectó en el invierno.



... especies de HRVs circularon en la ciudad de Santa Fe durante 2010-2011, observándose una predominancia de la especie HRV-A. Se detectó una elevada diversidad de genotipos, 28 genotipos, correspondiendo el 63% (18 genotipos) a HRV-A, 4 en HRV-B y 6 en HRV-C.