

Descripción de bacteriemias por *Ochrobactrum anthropi* en un Hospital Interzonal General de Agudos

M Gañete¹, C Sampere¹, P Santillan¹, D Serra¹, E Dinerstein¹, M Perez¹, L Racero¹, M Prieto², A Togneri¹ - ¹HIGA EVITA (Lanús) - ²INEI ANLIS Dr. C. Malbrán, Bacteriología especial (CABA), Argentina.



Introducción: El grupo taxonómico *Ochrobactrum anthropi* (OGA) incluye bacilos gram (-) aeróbicos, móviles, no fermentadores de glucosa, oxidasa y ureasa (+), anteriormente denominado *Achromobacter* spp. Coloniza suelo, fuentes de agua, productos biológicos. El género *Ochrobactrum* comprende 9 especies; sólo *O. grupo anthropi*, *O. intermedium* y *O. pseudintermedium* han sido reportados en muestras clínicas. OGA está reconocido como patógeno nosocomial oportunista.

Objetivo: Describir los aspectos clínico-microbiológicos de las bacteriemias por OGA en un Hospital del Conurbano Bonaerense.

Material y Métodos: Estudio retrospectivo: reporte de casos. Se realizó una revisión clínico-microbiológica de la información disponible de los pacientes con bacteriemia por OGA, en el período 3/2013 - 3/2017. Los Hemocultivos (HC) se procesaron en el Sistema Bactec; los aislados se estudiaron por métodos fenotípicos y el Sistema Phoenix (V6.01A) con posterior confirmación en el Laboratorio Nacional de Referencia. Se realizó la CIM a 9 antimicrobianos (ATM).

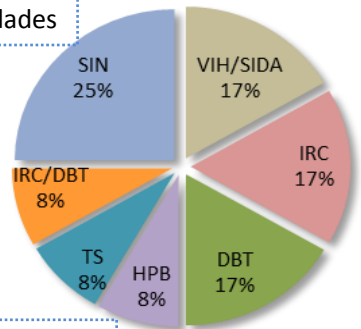
RESULTADOS

Población afectada (n=12 pacientes)

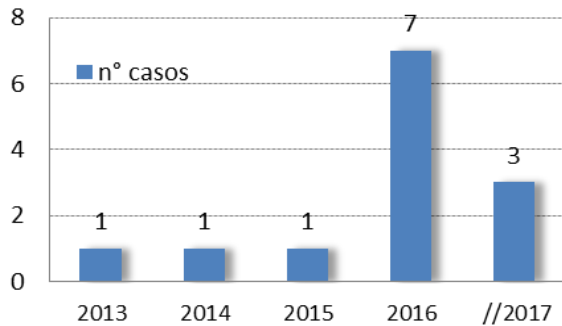
♦ La edad media (rango/mediana) fue 65 años (41-84/66,5).

♦ La media de días de internación (mediana) fue 27,3 (18,5).

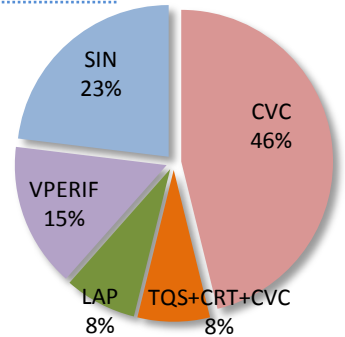
Comorbilidades



Incidencia de Bacteriemias



Procedimientos invasivos



Sensibilidad a ATM

ATM	AKN	GEN	CAZ	FEP	PTZ	MER	IMI	TMS	CIP
CIM ₅₀	8	2	32	2	128	1	1	0.5	0.1
CIM ₉₀	16	4	32	8	128	1	4	0.5	4

Conclusiones: *O. anthropi* ha emergido en nuestro medio como patógeno asociado al cuidado de la salud, en pacientes debilitados y con importante compromiso del estado general. Esto debe alertar a identificar a nivel de especie y monitorear la resistencia antimicrobiana en bacilos no fermentadores no habituales y jerarquizar su potencial rol patógeno.