

CANDIDA AURIS: PATÓGENO FÚNGICO EMERGENTE MULTIRRESISTENTE. ESTUDIO DE SENSIBILIDAD A LOS ANTIFÚNGICOS Y VALORACIÓN DE MÉTODOS DE IDENTIFICACIÓN FENOTÍPICOS, GENOTÍPICOS Y PROTEÓMICOS.



C Dudiuk^{1,2}, S Morales Lopez³, J Rodríguez Quinteros³, S Amigot⁴, M S Gamarra¹, G Garcia-Effron^{1,2}.

¹Laboratorio de Micología y Diagnóstico Molecular – Cátedra de Parasitología y Micología - Universidad Nacional del Litoral. Santa Fe (Santa Fe). Argentina. ² CONICET. ³Centro de Investigaciones Microbiológicas del Cesar (CIMCE), Colombia. ⁴Centro de especialidades médicas ambulatorias de Rosario (CEMAR), Argentina

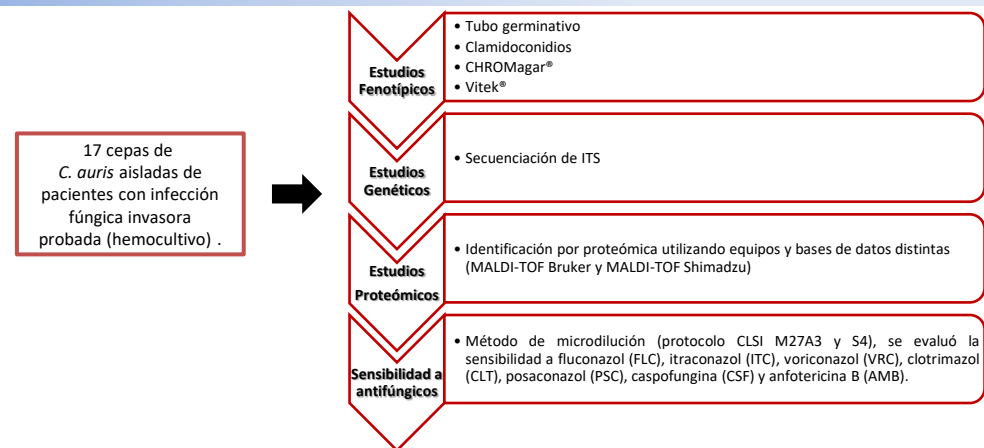
INTRODUCCIÓN

Candida auris es un patógeno emergente multiresistente, presentándose como un importante agente de candidemia nosocomial y responsable de múltiples brotes en todo el mundo. Se asocia a fracaso terapéutico y a altas tasas de mortalidad. La prevalencia de *C. auris* es subestimada ya que los métodos de identificación la clasifican erróneamente como *C. guilliermondii*, *C. haemulonii*, *C. famata* o *Rhodotorula glutinis*. Recientemente, se han registrado brotes por *C. auris* en Venezuela y Colombia lo que hace necesario el estudio de la sensibilidad a los antifúngicos disponibles y la evaluación de los métodos de identificación para así prevenir y controlar posibles brotes en nuestro país.

OBJETIVO

Evaluar la capacidad de los métodos de identificación disponibles en nuestro medio para diferenciar *C. auris* de otras especies de *Candida* relacionadas y establecer los perfiles de sensibilidad de esta especie.

MATERIALES Y MÉTODOS



RESULTADOS

CORRECTA IDENTIFICACIÓN	
Secuenciación de ITS	<u>Tubo germinativo</u> : no produce.
MALDI-TOF Bruker	<u>Clamidoconidios</u> : no produce.
	<u>CHROMagar®</u> : todas la cepas presentaron colonias de color blanco
	<u>Vitek®</u> : 8 cepas se identificaron como <i>C. guilliermondii</i> , 8 como <i>C. haemulonii</i> y una como <i>Rhodotorula spp.</i>
	MALDI-TOF de Shimadzu no pudo identificarlas ya que <i>C. auris</i> no está en su base de datos.

Cepas	SENSIBILIDAD A LOS ANTIFÚNGICOS (µg/ml)						
	FLC	ITC	VRC	PSC	CLZ	AMB	CSF
1162	>64	8	4	0,5	>8	0,5	0,125
1163	>64	0,5	2	0,5	2	1	>8
1164	>64	0,25	2	0,25	4	1	0,5
1165	>64	8	2	0,5	4	1	>8
1166	>64	8	2	0,5	4	1	>8
1167	>64	8	4	0,5	8	1	0,25
1168	>64	0,5	1	0,5	2	1	0,5
1169	>64	0,5	4	0,5	4	1	0,5
1171	>64	0,25	2	0,5	8	1	>8
1172	>64	0,5	2	0,5	2	0,5	2
1173	>64	0,5	2	0,12	8	1	0,5
1174	>64	0,5	2	0,5	4	1	>8
1175	>64	0,5	2	0,25	2	0,5	>8
1179	>64	0,5	2	0,5	2	1	>8
1180	>64	8	2	0,5	2	1	>8
1182	>64	8	2	0,5	8	1	>8
1183	>64	0,5	2	0,5	2	1	0,5

CONCLUSIÓN

Podemos recomendar que cuando se identifique una levadura como *C. guilliermondii* o como *C. haemulonii* con altos valores de CIM a FLC y AMB se utilicen métodos moleculares o proteómicos para confirmar que no se trata de *C. auris*. Esta diferenciación taxonómica es importante ya que el CDC recomienda a las instituciones de salud el aislamiento de pacientes colonizados o infectados por *C. auris*, mientras que esto no es necesario cuando se trata de otras *Candida spp.*