

## INTRODUCCIÓN.

El género *Pantoea* constituye un grupo de bacterias causantes de enfermedades en el reino vegetal, aunque su aislamiento en muestras ambientales y clínicas plantea su rol creciente como patógeno en humanos. Se describe un caso de bacteriemia por *Pantoea septica* asociada al uso de catéter venoso central.

## CASO CLÍNICO.

Paciente de 65 años de edad con antecedente de diabetes e hipertensión arterial, que ingresó a la unidad de terapia intensiva (UTI) por pancreatitis grave de origen biliar. Durante la internación requirió asistencia respiratoria mecánica, sin necesidad de nutrición parenteral. A su ingreso a la UTI se inició tratamiento antibiótico empírico con imipenem, que se suspendió a los 5 días por presentar cultivos negativos y mejoría clínica. A los 14 días de su ingreso presentó un cuadro de shock séptico, con hemocultivos y cultivo de punta de catéter positivos para *Acinetobacter baumannii* y *Pantoea septica*. El patrón de susceptibilidad antimicrobiana de los aislamientos se muestra en la Figura 1. La identificación se realizó por espectroscopía de masas (MALDI-TOF Bruker®) y la sensibilidad a antibióticos fue realizada por método automatizado Phoenix BD® y confirmada por E-test y/o difusión en agar de acuerdo a la normativa vigente (WHONET). La paciente recibió tratamiento antibiótico con cefepime y colistín con evolución favorable.

**FIGURA 1.**

	<i>A. baumannii</i> CIM (µg/ml) – Interpretación	<i>P. septica</i> CIM (µg/ml) – Interpretación
Ampicilina / sulbactam	>16/8 – R	16/8 – I
Ceftazidima	>16 – R	≤ 1 – S
Cefepime	>16 – R	≤ 1 – S
Ciprofloxacina	>2 – R	≤ 0,125 – S
Polimixina E / Colistin	≤ 1 – S	≤ 1 – S
Gentamicina	>8 – R	≤ 2 – S
Imipenem	>8 – R	≤ 1 – S
Piperacilina/ tazobactam	>64/4 – R	≤ 8/4 – S
Cotrimoxazol	>2/38 – R	≤ 0,5/9,5 – S

**FIGURA 2.**



## DISCUSIÓN.

*Pantoea* es un género de bacterias Gram negativas de la familia Enterobacteriaceae. Forman colonias mucoides de color amarillo (figura 2), fermentan la lactosa, pueden producir betalactamasas de tipo AmpC y son aisladas con frecuencia en vegetales aunque también han sido documentadas en muestras humanas y animales<sup>1</sup>.

El rol del género *Pantoea* como patógeno para el humano fue discutido, y actualmente son considerados oportunistas que afectan especialmente a la población neonatal<sup>2,3,4</sup>. El trauma penetrante por materiales de origen vegetal<sup>5</sup>, el uso de catéteres venosos centrales<sup>6</sup> y nutrición parenteral<sup>3</sup> están asociados a la infección por microorganismos del género *Pantoea*.

El presente constituye a nuestro entender el primer caso de bacteriemia asociada a catéter por *Pantoea septica* reportado en nuestro país.

1. Waterson AM et al. *Pantoea*: insights into a highly versatile and diverse genus within the Enterobacteriaceae. *FEMS Microbiol Rev.* 2015 nOV; 39(6): p. 968-84.  
 2. Aly NY et al. *Pantoea agglomerans* bloodstream infection in preterm neonates. *Med Princ Pract.* 2008; 17(6): p. 500-3.  
 3. Habsah H et al. An outbreak of *Pantoea* spp. in a neonatal intensive care unit secondary to contaminated parenteral nutrition. *J Hosp Infect.* 2005 Nov; 61(3): p. 213-8.  
 4. V Mehar et al. *Pantoea* Dispersa: An Unusual Cause of Neonatal Sepsis. *Braz J Infect Dis.* 2013 Oct; 17(6): p. 726-28.  
 5. Andrea T. Cruz et al. *Pantoea agglomerans*, a Plant Pathogen Causing Human Disease. *J Clin Microbiol.* 2007 Jun; 45(6): p. 1989-1992.  
 6. Hagiya H, Otsuka F. *Pantoea* dispersa bacteremia caused by central line-associated bloodstream infection. *Braz J Infect Dis.* 2014 Nov-Dec; 18(6): p. 696-7.  
 7. Nadarajah G, Stavrinides J. Quantitative evaluation of the host-colonizing capabilities of the enteric bacterium *Pantoea* using plant and insect hosts. *Microbiology.* 2014;(160): p. 602-15.  
 8. Brady CL et al. Emended description of the genus *Pantoea*, description of four species from human clinical samples, *Pantoea eucrina* sp. nov., *Pantoea brenneri* sp. nov. and *Pantoea conspicua* sp. nov., and transfer of *Pectobacterium cyrripedi* (Hort. Int J Syst Evol Microbiol. 2010 Oct; 60(10): p. 2430-40.