

Incidencia de especies del Complejo *Burkholderia cepacia* en pacientes con fibrosis quística en Argentina durante el período 2011-2015

Cipolla L, Rocca MF, Martínez C, Aguerre L, Armitano R, D'angiolo G, Prieto M
INEI - ANLIS "Dr. Carlos G. Malbrán", CABA, Argentina

INTRODUCCIÓN

En la actualidad el complejo *Burkholderia cepacia* (CBC) está conformado por 20 especies filogenéticamente muy relacionadas. Algunos miembros del CBC son reconocidos como patógenos respiratorios en pacientes con fibrosis quística (FQ), pero también algunas especies han emergido como patógenos oportunistas en pacientes inmunocomprometidos e incluso son responsables de brotes intrahospitalarios. *Burkholderia cenocepacia* es considerado el patógeno más severo, altamente virulento y transmisible y junto a *B. multivorans* representan la mayoría (80%) de las infecciones por CBC en pacientes con fibrosis quística alrededor del mundo, aunque su prevalencia varía de acuerdo al país en estudio. No obstante, en la Argentina, grupos de investigación de algunas instituciones hospitalarias han descripto una epidemiología local particular, con prevalencia de la especie *B. contaminans*.

OBJETIVO

Identificar a nivel de especie los aislamientos del CBC de muestras respiratorias de pacientes FQ recibidos en el laboratorio de referencia durante el período 2011-2015.

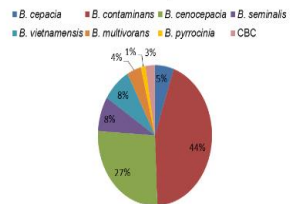
MATERIALES Y MÉTODOS

Se estudiaron 75 aislamientos de CBC aislados de 64 pacientes con FQ de 11 hospitales distribuidos en 7 provincias del país. La identificación se llevó a cabo por secuenciación del gen *recA*. Las secuencias obtenidas fueron comparadas con las secuencias de las cepas tipo de cada una de las especies del CBC mediante el programa BLAST.

RESULTADOS

La especie prevalente resultó ser *B. contaminans* (n=33) seguida por *B. cenocepacia* (n=20). El resto de las especies identificadas se distribuyeron homogéneamente: *B. seminalis* (n=6), *B. vietnamensis* (n=6), *B. cepacia* (n=4), *B. multivorans* (n=3) y *B. pyrrocinia* (n=1). Dos aislamientos no pudieron ser identificados debido a que las secuencias del gen *recA* obtenidas mostraron igual porcentaje de similitud respecto de las secuencias de varias especies del CBC. La distribución de especies de muestra en la Figura.

Distribución de especies del CBC



CONCLUSIONES

Los únicos países que han documentado la prevalencia de la especie *B. contaminans* dentro del CBC, en infecciones respiratorias de pacientes con FQ son Argentina, España y Portugal, y recientemente se reportó un caso de dos pacientes FQ en Irlanda. Debido a la alta frecuencia con que *B. contaminans* es aislada en nuestro país, es necesario promover la investigación de las posibles fuentes de infección y sobre todo comprender los factores y mecanismos implicados en la aparente mayor transmisibilidad de esta especie.